



51º Congresso Brasileiro de FITOPATOLOGIA

ANAIIS 2019

Realização



UNIVERSIDADE
FEDERAL
DE PERNAMBUCO



UFRA



Universidade
Federal
de Pernambuco
UFSCAR



UNIVERSIDADE
PERNAMBUCANO
UPE



Instituições Parceiras



INSTITUTO FEDERAL
Santo Antônio
Campus Petrolina Zone Rural



INSTITUTO FEDERAL
Pernambuco
Campus Viçosa de Santo Antônio



IFPE
UFRA

FICHA CATALOGRÁFICA

ANAIS DO IX CONGRESSO BRASILEIRO DE FITOPATOLOGIA
RECIFE-PE | 27 A 30 DE AGOSTO DE 2019

Edição Técnica

Marco Aurélio Siqueira da Gama, Lilian Margarete Paes Guimarães e Jonas Alberto Rios

Revisão Técnica

Marco Aurélio Siqueira da Gama, Lilian Margarete Paes Guimarães e Jonas Alberto Rios

Diagramação

Alisson Amorim Siqueira

Todos os resumos neste livro foram reproduzidos de cópias fornecidas pelos autores e o conteúdo dos textos é de exclusiva responsabilidade dos mesmos. A organização do referente evento não se responsabiliza por consequências decorrentes do uso de quaisquer dados, afirmações e/ou opiniões inexatas ou que conduzam a erros publicados neste livro de trabalhos. É de inteira responsabilidade dos autores o registro dos trabalhos no conselhos de ética, de pesquisa ou SisGen.

Copyright © 2019 - 51º Congresso Brasileiro de Fitopatologia | CBFITO 2019

Todos os direitos reservados. Nenhuma parte desta obra pode ser reproduzida, arquivada ou transmitida, em qualquer forma ou por qualquer meio, sem permissão escrita da organização do evento.

ISBN

Taxonomy of different *Fusarium* species using High Resolution Melting technique (Taxonomia de diferentes espécies de *Fusarium* usando High Resolution Melting)

Moura, R. D.¹; Fernandes, A. A. R.¹; Fernandes, P. M. B.¹; Ventura, J. A.². ¹Laboratório de Biotecnologia Aplicada ao Agronegócio, PG-Biotecnologia, Universidade Federal do Espírito Santo; ²Instituto Capixaba de Pesquisa, Assistência Técnica e Extensão Rural, INCAPER. Email: raissadmoura@hotmail.com.

Fusarium species has a wide geographical distribution and some are economically and socially important in plants, animals, and humans. Consequently, correct identification is crucial to the efficiency of control strategies. *Fusarium* characterization and differentiation are obtained from morphological, biological, phylogenetic characters and according to host specificity. However, these methodologies can be imprecise, costly and difficult to use, due to the similar and insufficiency characters. Therefore, it is of extreme significance the use of biotechnological tools to identify, differentiate and correctly diagnose *Fusarium* species. High-resolution melting (HRM) assay is a powerful and cost-effective method for mutation scanning and SNP genotyping. The automated analytical molecular techniques measure the rate of dissociation of double- to single-stranded DNA, based on its melting curve profiles (TMs). This technique has been used already to diagnose viruses, bacteria, nematodes, fungi, and other plant pathogens due to its simplicity, accuracy, reproducibility and low-cost. The objective of this research was the characterization and identification of *Fusarium* species of three complex. DNA extractions of *F. ananatum*, *F. guttiforme*, *F. oxysporum* and *F. solani* were obtained and six primers developed from Actin (ACT; ACT2), Beta-tubulin (TUB), Calmodulin (CALM), Phosphoglycerate kinase (PGK), RNA polymerase II larger subunit (RPB1). Using the primers of ACT2, ACT, and CALM it was possible to distinguish the species of *F. ananatum*, *F. guttiforme*, *F. oxysporum*, and *F. solani*. In relation to the ACT primers, *F. ananatum* exhibited TM of 80.3°C, *F. guttiforme* 80.7°C, *F. solani* 80.5°C and *F. oxysporum* 80.4°C. The ACT2 region produced TM of 81.02°C for *F. oxysporum*, 81.5°C *F. guttiforme*, 81.3°C *F. ananatum* and 81.1°C *F. solani*. As for CALM region, TM was 82.5°C for *F. oxysporum*, 83.8°C *F. guttiforme*, 83.6°C *F. ananatum* and 83.4°C *F. solani*. However, the primers PGK, RPB1 and TUB did not allow the differentiation, and later analyzes are necessary to adapt them to the research. The results showed that the HRM technique can be used in taxonomic studies since it allows the characterization and differentiation of *Fusarium* species at the level of SNPs.

Palavras-chave: *Fusarium*; qPCR; HRM

Apoio: Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior (CAPES)FAPES (Fundo de Amparo à Pesquisa e Inovação do Espírito Santo) Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico (CNPq)